

 Contenuto archiviato il 2024-06-18



Hit to lead optimisation of novel anti-TB scaffolds through an academic-industrial partnership

Risultati

Informazioni relative al progetto

COOPERA-TB

ID dell'accordo di sovvenzione: 606963

Progetto chiuso

Data di avvio

1 Febbraio 2014

Data di completamento

31 Gennaio 2018

Finanziato da

Specific programme "People" implementing the Seventh Framework Programme of the European Community for research, technological development and demonstration activities (2007 to 2013)

Costo totale

€ 1 174 366,00

Contributo UE

€ 1 174 366,00

Coordinato da

THE UNIVERSITY OF
BIRMINGHAM

 United Kingdom

CORDIS fornisce collegamenti ai risultati finali pubblici e alle pubblicazioni dei progetti ORIZZONTE.

I link ai risultati e alle pubblicazioni dei progetti del 7° PQ, così come i link ad alcuni tipi di risultati specifici come dataset e software, sono recuperati dinamicamente da [OpenAIRE](#) .

Pubblicazioni

Pubblicazioni mediante OpenAIRE (3)



[Development of a novel secondary phenotypic screen to identify hits within the mycobacterial protein synthesis pipeline](#)

Autori: Jonathan A. G. Cox; Joël Lelièvre; Xiaojun Li; Christopher Burke; Patrick J. Moynihan; James C. Sacchettini; Monika Jankute; Jorge Esquivias; Ruben Gonzalez Del Rio; Gurdyal S. Besra

Pubblicato in: WileyFASEB BioAdvances, Vol 2, Iss 10, Pp 600-612 (2020) 2020

ID permanente: Digital Object Identifier:10.1096/fba.2020-00022; PubMed ID:33089076; PubMed Central ID:PMC7566049; Microsoft Academic Graph Identifier:3047332666

[Identification and characterization of aspartyl-tRNA synthetase inhibitors against Mycobacterium tuberculosis by an integrated whole-cell target-based approach](#)

Autori: Ramón Soto; Esther Perez-Herran; Beatriz Rodriguez; Bogdan M. Duma; Monica Cacho-Izquierdo; Alfonso Mendoza-Losana; Joel Lelievre; David Barros Aguirre; Lluís Ballell; Liam R. Cox; Luke J. Alderwick; Gurdyal S. Besra

Pubblicato in: Springer Science and Business Media LLCSci Rep 2018

ID permanente: Digital Object Identifier:10.1038/s41598-018-31157-3; PubMed ID:30140040; PubMed Central ID:PMC6107548; Handle:10016/38684; Microsoft Academic Graph Identifier:2886412129

[Development of a whole-cell high-throughput phenotypic screen to identify inhibitors of mycobacterial amino acid biosynthesis](#)

Autori: Christopher Burke; Katherine A. Abrahams; Joël Lelièvre; Gurdyal S. Besra; Nicholas J. Loman; Emily J. Richardson; Carlos Alemparte

Pubblicato in: WileyFASEB Bioadv 2019

ID permanente: Digital Object Identifier:10.1096/fba.2018-00048; PubMed ID:32123830; PubMed Central ID:PMC6996392; Microsoft Academic Graph Identifier:2932455760

Ultimo aggiornamento: 27 Gennaio 2022

Permalink: <https://cordis.europa.eu/project/id/606963/results/it>

